

	Orateur	Thème
9h	Stéphane Guindon	Modèles et inférence pour l'analyse de génomes de pathogènes géo-référencés
10h	Matthias Zytnicki	Assessing genome conservation on pangenome graphs with PanSel [résumé]
10h20	Benjamin Linard	Simplified pangenome graph traversals with PSSM scoring: search for motifs differentials [résumé]
10h40	Alexis Mergez	Pan1c: a Snakemake workflow to create chromosome level pangenomes [résumé]
11h00	Pause	
11h30	Claire Hoede	metagWGS, a comprehensive workflow to analyze metagenomic data using Illumina or PacBio HiFi reads [résumé]
11h50	Sébastien Cabanac	Comparing selection pressures between aquatic and terrestrial plants highlights modifications of energy mechanisms in aquatic plants [résumé]
12h10	Bertrand Servin	Inferring effective population size and selection intensity from genomic time series data [résumé]
12h30	Déjeuner et posters	
14h00	Laura Cantini	Multi-modal learning for single-cell multi-omics data integration
15h00	Sylvain Foissac	Benchmark d'outils d'analyse différentielle de données Hi-C [résumé]
15h20	Noémien Maillard	Can neural networks be used to predict cross-species annotations of chromatin regulation? [résumé]
15h40	Pause	
16h10	Ludovic Cottret	Codev4Graph: composants web pour la visualisation de réseaux biologiques [résumé]
16h30	Vincent Rocher	Évaluation des méthodes d'inférence de réseaux de gènes sur le réseau connu et reconstruit de <i>Bacillus subtilis</i> [résumé]
16h50	Marcelo Hurtado	CellTFusion: A transcriptional regulatory network approach to unravel cell states from immune cell type deconvolution and cell niches potentially predictive of cancer progression [résumé]
17h10	Fin	

Posters : Copula multi-trait animal model to improve the genetic selection ([Tom Rohmer](#), Estelle Kuhn), Influence of the Hyper Variable Region insertions/duplications on the contacts between domains of the Hepatitis E Virus ORF1 poly-protein ([Nicolas Jeanne](#)) et Tests de fonction de répartition cumulative conditionnelle pour l'analyse d'ensembles de gènes de données RNA-seq en cellule unique ([Sara Fallet](#), Denis Agniel, Rodolphe Thiébaud et Boris Hejblum).